### 环 境 化 学 ENVIRONMENTAL CHEMISTRY

第 42 卷第 4 期 2023 年 4 月 Vol. 42, No. 4 April 2023

#### DOI:10.7524/j.issn.0254-6108.2022101902

曹冬, 耿方兰, 饶子渔, 等. 傅里叶变换离子回旋共振质谱分子表征 <sup>5</sup>N 同位素标记羟胺衍生化天然有机质 [J]. 环境化学, 2023, 42(4): 1118-1127.

CAO Dong, GENG Fanglan, RAO Ziyu, et al. Molecular characterization of <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine-derivatized natural organic matter by FTICR-MS[J]. Environmental Chemistry, 2023, 42 (4): 1118-1127.

# 傅里叶变换离子回旋共振质谱分子表征<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化天然有机质<sup>\*</sup>

曹 冬 耿方兰 饶子渔 康跃惠\*\*

(中国科学院生态环境研究中心,环境化学与生态毒理学国家重点实验室,北京,100085)

摘 要 羟胺化合物是地球氮循环过程中的重要中间产物. 天然有机质(NOM)作为环境中普遍存在的 复杂有机混合物,对羟胺的环境转化有重要影响.本研究采用傅里叶变换离子回旋共振质谱(FTICR-MS)在分子层面表征羟胺与 NOM 的相互作用产物,采用 5N 同位素标记羟胺作为反应物以排除 NOM 本身存在的化合物的质谱峰干扰,特异性识别 5N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 的质谱信号;同时 考察了反应时间对 NOM 与羟胺反应活性的影响. 结果表明,NOM 与过量 i5N 同位素标记羟胺在室温条 件反应下 10 h, 可以鉴定到 2137 个 l5N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物分子式, 其中包括, 1 个 l5N 同 位素标记羟胺分子与1个仅含C、H、O元素的 NOM 分子反应形成的产物分子式1346个(CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub>, 约占产物分子式总数 63%),两个<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺分子与一个仅含 C、H、O 元素的 NOM 分子反应 形成的产物分子式 194 个(CHO<sup>IS</sup>N<sub>2</sub>,约占产物分子式总数 9%),一个<sup>IS</sup>N 同位素标记羟胺分子与一个 仅含 C、H、O 和一个 S 元素的 NOM 分子反应形成的产物分子式 376 个(CHOS<sub>1</sub> SN<sub>1</sub>,约占产物分子式 总数 18%), 一个<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺分子与一个仅含 C、H、O 和一个 N 元素的 NOM 分子反应形成的 产物分子式 221 个(CHON, <sup>15</sup>N<sub>1</sub>,约占产物分子式总数 10%). 这些羟胺衍生化 NOM 产物主要属于维管 植物源多酚类和高不饱和酚类化合物, 86% 以上的产物很可能通过羟胺与 NOM 分子所含的羰基基团发 生肟化反应形成. CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> 类产物的形成具有高度的时间依赖性,高氧化高饱和度的 NOM 化合物需要较 长的反应时间才能形成羟胺衍生化 NOM 产物,表明此类化合物与羟胺的反应活性较弱;而低氧化高不 饱和度的 NOM 化合物仅需要较短的时间便能形成羟胺衍生化产物,且随着反应时间延长,其中的部分 化合物可以进一步生成多肟化产物或不稳定的其他产物,此结果表明这类 NOM 化合物对羟胺的反应活 性较强. 本研究采用 FTICR-MS 首次在分子水平全面表征了羟胺与 FTICR-MS 相互作用产物信息,可为 羟胺在地球氮循环过程中的迁移转化机制研究提供全新视角和信息.

关键词 15N 同位素标记羟胺,傅里叶变换离子回旋共振质谱,天然有机质,羟胺衍生化天然有机质.

## Molecular characterization of <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine-derivatized natural organic matter by FTICR-MS

CAO Dong GENG Fanglan RAO Ziyu KANG Yuehui \*\*

(State Key Laboratory of Environmental Chemistry and Ecotoxicology, Research Center for Eco-Environmental Science, Chinese Academy of Sciences, Beijing, 100085, China)

Abstract Hydroxylamine is a crucial intermediate in the natural nitrogen cycle. Natural organic

<sup>2022</sup>年10月19日收稿(Received: October 19, 2022).

<sup>\*</sup> 国家自然科学基金(重点项目 22036007) 资助.

Supported by National Natural Science Foundation of China (Key Program 22036007).

<sup>\*\*</sup> 通信联系人 Corresponding author, Tel: 010-62849729, E-mail: yhkang@rcees.ac.cn

matter (NOM), as a very complicated heterogeneous mixture widely existing in the environment, may affect the transformation processes of hydroxylamine. Here, Fourier transform ion cyclotron resonance mass spectrometry (FTICR-MS) is used for molecular characterization of hydroxylamine derivatized-NOM. <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine is applied to specifically discriminate <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine derivatized-NOM from other interferences original existing in NOM. The effect of reaction time on the reactivity of NOM to hydroxylamine is investigated. A total of 2137 molecular formulas of the derivatives are obtained including CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> (1346, 63%), CHO<sup>15</sup>N<sub>2</sub> (194, 9%), CHOS<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> (376, 18%) and CHON<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> (221, 10%). The <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine derivatized-NOM are mainly assigned to vascular plant-derived polyphenols and highly unsaturated and phenolic compounds. More than 86% of the derivatives appear to be formed by oximation reaction. The generation of CHO15N1 derivatives is highly time dependent. More oxidized and saturated NOM CHO compounds need long time to form the hydroxylamine derivatives, indicating they appear to be less liable to react with hydroxylamine, while less oxidized and more unsaturated NOM CHO compounds could form the hydroxylamine derivatives in short time, and some of them even could generate multi-oximed products or other unstable products within longer time, which suggests they may have high reactivities to hydroxylamine. This is the first report on the comprehensively molecular characterization of the hydroxylamine derivatized-NOM by FTICR-MS and can provide new insight into the research on migration and transformation mechanism of hydroxylamine in the nitrogen cycle.

**Keywords** <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine, FTICR-MS, natural organic matter, hydroxylamine-derivatized organic matter.

羟胺作为重要的活性氮化合物,在地球氮循环中起着至关重要的作用[1-3]. 大量研究表明多种氨氧化微生物催化的氨氧化[4-5],氮固化[6]、硝化和反硝化[7]等过程中均有羟胺化合物的产生,为了深入了解羟胺在地球氮循环中的作用,研究羟胺在环境中的迁移转化是十分必要的.

NOM 作为环境中普遍存在的复杂有机混合物,包含羟基、酮基、羧基等多种活性基团<sup>[8-9]</sup>,对多种含氮化合物的环境迁移转化有着重要影响.例如,环境中的苯胺化合物可以共价结合 NOM 分子<sup>[10]</sup>;氨作为农业土壤氮肥中含量最丰富的一种形式,可与 NOM 结合而被称之为氨固化<sup>[11]</sup>; 3,4-二氯苯胺是敌草隆除草剂降解过程中产生的主要代谢物,它能够不可逆地与 NOM 结合,从而降低其毒性<sup>[12]</sup>.在 NOM 与上述含氮化合物的相互作用过程中,NOM 的醛、酮官能团被认为是主要的作用位点.

羟胺也可以与羰基反应生成肟类产物<sup>[13]</sup>,已有多篇研究报道了羟胺与 NOM 的相互作用以探究 NOM 对羟胺的吸收作用<sup>[14]</sup> 或测定含羰基的 NOM 组分<sup>[15]</sup>. Thorn 等通过液体<sup>15</sup>N NMR 光谱法对羟胺衍生的 NOM 产物进行了表征,证明肟类化合物是其主要衍生物<sup>[16]</sup>. 然而,由于 NOM 组成极其复杂,传统的方法很难分离羟胺衍生的 NOM 组分从而获得更全面的分子信息. 因此,尽管羟胺衍生的 NOM 的分子组成对环境化学家更好地理解有机质对全球氮循环中羟胺转化的影响具有重要意义,但到目前为止尚未见报道.

FTICR-MS, 因其具有超高的质量检测准确度和分辨率, 目前已成为表征 NOM<sup>[17]</sup> 及其消毒副产物<sup>[18]</sup> 分子组成的重要分析工具. 通过对 NOM 中存在的小分子有机物的精确质量数测定, 从而获得其分子式信息, 在此基础上, 通过各种可视化图分析, 可进一步区分 NOM 分子所属化合物种类, 如脂类、木质素类、鞣酸类、稠环芳烃类等, 还可进一步分析化合物的疏水性、芳香度、不饱和度等性质<sup>[19-20]</sup>. 基于此, 本研究采用 FTICR-MS 对羟胺衍生的 NOM 产物进行分子表征, 采用<sup>15</sup>N 同位素标记的羟胺作为起始反应物, 以保证所得到的<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生 NOM 产物能排除 NOM 中其他组分的干扰, 从而被特异性地识别检测; 同时考察了时间对羟胺与 NOM 反应的影响.

## 1 材料与方法(Materials and Methods)

#### 1.1 试剂与样品制备

<sup>15</sup>N 标记盐酸羟胺 (H<sub>2</sub><sup>15</sup>NOH·HCl, >98%) 购置于 Sigma-Aldrich 公司(Steinheim, Germany), NOM 标准品购置于美国腐殖酸学会, 超纯水制备于 Milli-Q system (Millipore, Milford, MA, USA), 甲醇 (色谱纯) 购置于 Fisher Scientific 公司(Fair Lawn, N.J., USA), 其他试剂均为国产分析纯试剂.

称取 2.0 mg NOM 标准品溶解于 100 mL 超纯水中制备成 20.0 mg·L<sup>-1</sup> NOM 储备液.取 10 mL NOM 储备液 4份,分别加入 50 倍质量过量的 <sup>15</sup>N 标记盐酸羟胺,在室温条件分别振荡反应 2、4、8、10 h,然后,采用全自动固相萃取装置(睿科公司,厦门)和安捷伦 Bond Elut PPL 固相萃取柱((0.5 g/6 mL, Varian, Palo Alto, CA, U.S.A.)对上述样品进行固相萃取以去除残留的 <sup>15</sup>N 标记盐酸羟胺并富集浓缩样品 <sup>[21]</sup>,具体操作步骤如下:(1)用甲酸调节反应样品 pH 至 2.0;(2)在固相萃取装置上安装好PPL 柱,先后用 12 mL 甲醇(色谱纯)和 12 mL 0.1%的甲酸水溶液淋洗活化柱子;(3)PPL 柱缓慢加入 10 mL 样品,样品以 1 mL·min<sup>-1</sup>的流速通过固相萃取柱以富集目标化合物;(4)样品流完后加入 12 mL 0.1%甲酸水溶液淋洗柱子,以除去不保留成分;(5)氮吹干燥柱子,然后用 12 mL 甲醇洗脱,收集洗脱液;(6)氮吹洗脱液至甲醇完全挥发,FTICR-MS 测定前用 1 mL 甲醇溶解.

#### 1.2 设备

FTICR-MS(Solarix 15T, Infinity cell, Bruker Daltonik, GmbH, Bremen, Germany)配备电喷雾/基质辅助激光解吸双离子源(ESI/MALDI). 本研究均采用 ESI 源进行样品离子化, 进样方式采用直接连续进样, 进样流速为 120  $\mu$ L·h<sup>-1</sup>; 离子源喷针电压设置为 4.0 kV, 样品采用负离子宽谱扫描模式进行分析, 离子累积时间设置为 0.06 s, 四百万字节时域采集瞬变模式, 每个样品采集 300 扫描并叠加(每个样品重复测定 3 次); 质量扫描范围(m/z)100—1600. 仪器测定样品前, 采用 10 mmol·L<sup>-1</sup> 甲酸钠(50% 异丙醇水溶液)校准液进行外标校准, 样品测定后获得数据采用自制的 NOM 中常见已知 CHO 分子式列表作为内标校准文件进行进一步的内标校准, 校准后的质量误差均小于百万分之 0.5. 质谱数据采用 Data Analysis 软件进行分析 (Bruker Daltonics, version 5.3).

#### 1.3 分子式匹配方法

采用 Data Analysis (Bruker Daltonics, version 5.3)软件对所得数据进行质谱峰确认和可能分子式匹配,分子式匹配条件如下: ,确认质谱峰信噪比(S/N)大于等于 4, 质量检测误差值小于等于百万分之 0.5, 仅考虑 C、H、O、N、S 元素,元素个数范围设置如下:  $^{12}C$  ( $0--\infty$ ),  $^{1}H$  ( $0--\infty$ ),  $^{16}O$  ( $0--\infty$ ),  $^{14}N$  (0--3),  $^{15}N$  (0--2), and  $^{32}S$  (0--1); 进一步采用如下规则[<sup>22]</sup> 对得到的可能分子式进行进一步筛选: 氢碳比值(H/C)范围: 0.3<H/C<2.2, 氧碳比值范围(O/C): O/C<1.2, 不饱和度(DBE)值需为整数且小于 40, 分子式组成满足偶氮规则,同时 H、C、N 元素个数满足: H<=2C+2+N,如果一个质核比(m/z)离子有多个可能分子式时,采用杂元素之和最小规则[<sup>23]</sup>筛选出正确分子式(即选择 N、S 元素个数之和最小的分子式是正确的),保留 3 次重复测定结果中共同鉴定到的分子式结果并转换成 Excel 表数据进行作图分析.

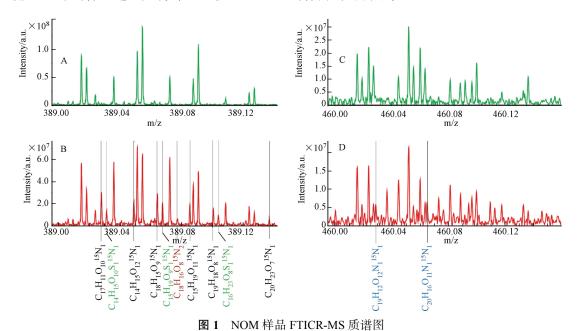
根据已有文献报道, 计算每个分子式的不饱和度减氧元素个数值(DBE-O)[<sup>24</sup>], 修正芳香指数 (AI<sub>mod</sub>) [<sup>25</sup>]; 根据 AI<sub>mod</sub> 和 H/C 值范围将所得分子式分子划分为 4 类[<sup>26</sup>]: 第一类(Group 1)属于燃烧源 稠环多环芳烃类化合物 (AI<sub>mod</sub> > 0.66), 第二类(Group 2)属于维管植物源多酚类化合物 (0.66  $\geq$  AI<sub>mod</sub> > 0.5), 第三类(Group 3)属于高不饱和酚类化合物(AI<sub>mod</sub>  $\leq$  0.50 and H/C  $\leq$  1.5), 第四类(Group 4)属于脂肪族化合物 (2.0  $\geq$  H/C  $\geq$  1.5).

## 2 结果与讨论(Results and Discussion)

#### 2.1 FTICR-MS 检测<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物

羟胺作为活性氮化合物可直接与 NOM 中的含羰基分子反应形成多种羟胺衍生化 NOM 产物<sup>16</sup>,然而,由于 NOM 中本身含有的含氮化合物同分异构体的存在,导致羟胺衍生化 NOM 产物很难被

FTICR-MS 特异性识别检测. 本研究采用<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺作为反应物, 当与 NOM 发生反应后形成 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物, 而 NOM 本身含氮分子的<sup>15</sup>N 同位素峰通常掩盖在 FTICR-MS 的噪音信号以下, 不会对<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物的质谱信号造成干扰, 从而能在 FTICR-MS 检测时特异性识别此类产物. 实验结果如图 1 所示. 以质谱图标称 m/z 389 和 m/z 460 为例, 可以看到, 当 NOM 与<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺在室温条件下反应 10 h 后, 与原 NOM 样品的质谱图相比 (图 1 A、C), 明显有 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物峰出现(图 1 B、D), 且这些质谱峰不受 NOM 中其他离子峰干扰, 产物分子式种类主要包括 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub>, CHO<sup>15</sup>N<sub>2</sub>, CHOS<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> 和 CHON<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> 等 4 类. 以上实验结果表明, 当 NOM 与 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺反应 10 h 后, 会明显产生 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺 衍生化 NOM 产物, 且这些产物峰可以被 FTICR-MS 特异性检测识别.

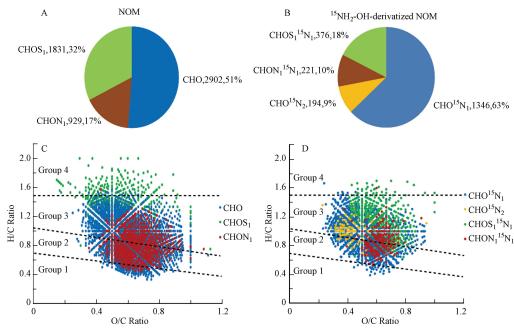


(A)标称 m/z 389, (C) 标称 m/z 460; NOM 与¹⁵N 标记羟胺反应 10 h 后的样品 FTICR-MS 质谱图(B)标称 m/z 389, (D) 标称 m/z 460. ¹⁵N 标记羟胺衍生 NOM 产物分子式标记在谱图下方

**Fig.1** Mass spectra of NOM at nominal m/z 389 (A) and m/z 460 (C); Mass spectra of NOM reacting with -labelled hydroxylamine in 10 h, at nominal m/z 389 (B), at nominal m/z 460(D). Molecular formulas of the detected <sup>15</sup>N- labelled-hydroxylamine derivatized-NOM components were listed under the spectra

#### 2.2 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物的分子组成分析

为了进一步分析羟胺衍生化 NOM 产物的分子组成, 对整个质谱数据依据 1.3 节部分描述进行分子式匹配和筛选, 得到所有检测到的 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物的分子式结果. 分析结果如图 2 所示, 共鉴定到 2137个 <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物分子式 (图 2B), 其中,包括CHO <sup>15</sup>N <sup>1</sup> 分子式 1346个(约占鉴定总数的 63%), CHO <sup>15</sup>N <sup>2</sup> 分子式 194个(约占鉴定总数的 9%), CHO <sup>15</sup>N <sup>1</sup> 分子式 221个(约占鉴定总数的 10%), CHO <sup>15</sup>N <sup>1</sup> 分子式 376个(约占鉴定总数的 18%). 而对于反应前的 NOM 样品, 共鉴定到 CHO 分子式 2902个(约占鉴定总数的 51%), CHO <sup>1</sup> 分子式 299个(约占鉴定总数的 17%), CHO <sup>15</sup> 分子式 1831个(约占鉴定总数的 32%). 通过比较分析, 可以看到, 约40%以上的 NOM 中的 CHO 分子组分可以与 <sup>15</sup> N 同位素标记羟胺发生反应形成 CHO <sup>15</sup> N <sup>1</sup> 羟胺衍生 NOM 产物, 而仅有低于 7%的 NOM 中的 CHO 分子组分可以形成 CHO <sup>15</sup> N <sup>2</sup> 羟胺衍生 NOM 产物;对于 NOM 中的 CHO N <sup>1</sup> 分子组分, 仅有约 23.7%的 CHO <sup>1</sup> 和约 20.7%的 CHO <sup>2</sup> 分子组分可与羟胺反应形成相应的 CHO <sup>15</sup> N <sup>1</sup> 和 CHO <sup>2</sup> 1 产物. 据此,可以推测,这些与羟胺反应的 NOM 分子中很可能至少含有一个羰基基团. Baluha 等的研究表明,苏万尼河富里酸中约 39%的 CHO 分子组分含有一到两个醛基或者酮基基团 <sup>127</sup>, 此研究结果为本研究的推测提供了支持证据. 而形成 CHO <sup>15</sup> N <sup>2</sup> 羟胺衍生物的数目较少的原因可能是由于空间位阻、氢键作用或者电荷效应等导致 NOM的 CHO 分子很难与两个羟胺分子连续发生反应.



**图 2** NOM 与<sup>15</sup>N 标记羟胺反应前(A)后(B)鉴定到的分子式数目和占比图; NOM 样品(C)和 NOM 与<sup>15</sup>N 标记羟胺 反应 10 h 后(D)鉴定分子式的 Van Krevelen 图

**Fig.2** Number and percentage of molecular formulas identified in NOM (A) and NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 10 h (B); Van Krevelen diagrams of the identified formulas in NOM (C) and NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 10 h (D)

通过 Van Krevelen(VK)图分析,可以进一步推测化合物的理化属性和分子种类,通过 AI\_mod 和 H/C 值的范围可以将化合物划分为 4 类<sup>[26]</sup>(如图 2C、D 所示).可以看到,<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物绝大部分属于维管植物源多酚类(Group 2)和高不饱和酚类化合物(Group 3)(图 2D);与原始 NOM 样品的 VK 图(图 2C)比较发现,NOM 组分在 VK 图上的点分布范围几乎完全覆盖羟胺衍生化 NOM 产物组分的点分布,表明羟胺衍生化 NOM 产物组分的 H/C 和 O/C 值与原 NOM 组分相比没有发生较大变化,对这一结果的可能解释是羟胺衍生化 NOM 产物很可能是通过羟胺与 NOM 组分所含的羰基发生肟化反应形成<sup>[16]</sup>,因为发生肟化反应时,羟胺衍生化 NOM 产物分子式与原 NOM 分子相比 H 元素个数仅增加了 1, O 元素个数无变化,同时增加了 1 个<sup>15</sup>N 元素.为了进一步证明此推测,基于肟化反应,根据羟胺衍生化 NOM 产物分子式还原出相应的 NOM 反应物分子式,如果被还原出的分子式在原 NOM 样品中被鉴定到,则被定义为母-子分子对,同时认为此产物应该是通过肟化反应产生的.通过数据分析发现(结果如图 3A 所示),对于 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> 羟胺衍生化 NOM 产物,可以找到 1160 个母-子分子对(约占总数的 86.1%),对于 CHO<sup>15</sup>N<sub>2</sub> 羟胺衍生化 NOM 产物,共鉴定到 172 个母-子分子对(约占总数的 86.4%),对于 CHON<sub>1</sub> <sup>15</sup>N<sub>1</sub> 羟胺衍生化 NOM 产物,共鉴定到 198 个母-子分子对(约占总数的 89.6%),对于 CHOS<sub>1</sub> <sup>15</sup>N<sub>1</sub> 羟胺衍生化 NOM 产物,共鉴定到 357 个母-子分子对(约占总数的 94.9%).此结果表明,86%以上的羟胺衍生化 NOM 产物很可能是通过肟化反应形成.

通过对上述鉴定到的羟胺衍生化 NOM 产物的母分子的 VK 图分析发现(图 3B、C、D), H/C 值范围在 0.4—1.4 同时 O/C 值范围在 0.3—0.9 的 NOM CHO 分子, H/C 值范围在 0.6—1.1 同时 O/C 值范围在 0.5—0.75 的 NOM CHON<sub>1</sub> 分子,以及 H/C 值范围在 0.7—1.5 同时 O/C 值范围在 0.42—0.9 的 NOM CHOS<sub>1</sub> 分子更容易与<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺反应形成单肟产物,且这些分子大部分属于维管植物源多酚和高不饱和酚类化合物;而 H/C 值范围在 0.6—1.2 同时 O/C 值范围在 0.3—0.7 的 NOM CHO 分子可以与羟胺形成双肟产物.其他被检测到的 NOM 分子,如 H/C 值大于 1.4 或者 O/C 值大于 0.9 的 NOM CHO 分子,H/C 值大于 1.1 或者 O/C 值大于 0.75 的 NOM CHON<sub>1</sub> 分子,以及 H/C 值大于 1.5 或者 O/C 值大于 0.9 的 NOM CHOS<sub>1</sub> 分子,在此实验条件下不与羟胺发生反应形成肟化产物.此实验结果表明,低 H/C 值和 O/C 值 NOM 组分可能具有较高的羟胺反应活性.低 H/C 值和 O/C 值意味着

分子具有较高的不饱和度和较低的氧化度,据此可以推测,这些分子可能含有更多的羰基基团和较少的羧基基团,从而导致其对羟胺的反应活性较高.

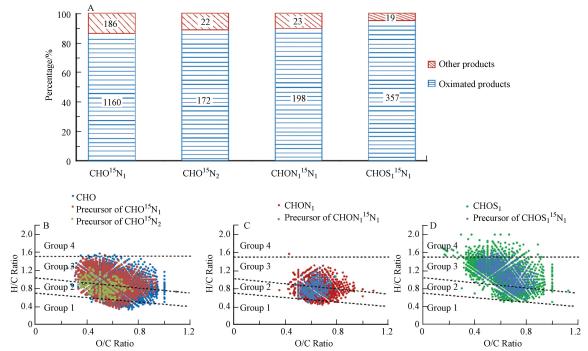
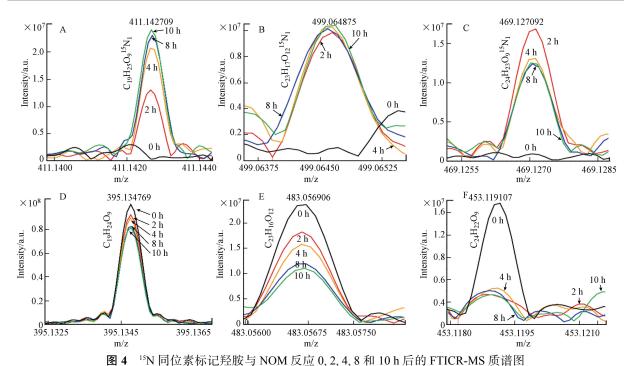


图 3 (A)基于肟化反应的母子-分子对个数和百分比图; (B)NOM 中 CHO 分子以及与羟胺反应 10 h 形成 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> 和 CHO<sup>15</sup>N<sub>2</sub> 产物的 CHO 分子的 VK 图, (C)NOM 中 CHON<sub>1</sub> 分子以及与羟胺反应 10 h 形成 CHON<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> 产物的 CHON<sub>1</sub> 分子的 VK 图, (D)NOM 中 CHOS<sub>1</sub> 分子以及与羟胺反应 10 h 形成 CHOS<sub>1</sub><sup>15</sup>N<sub>1</sub> 产物的 CHOS<sub>1</sub> 分子的 VK 图 Fig.3 (A) Number and percentage of the precursor-product molecule pairs based on oximation reaction; (B) Van Krevelen diagrams of CHO formulas in NOM, precursors of CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> and CHO<sup>15</sup>N<sub>2</sub> formulas obtained in NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 10 h; (C) Van Krevelen diagrams of CHON<sub>1</sub> formulas in NOM and precursors of CHOS<sub>1</sub> formulas in NOM reacting with <sup>15</sup>N- labelled hydroxylamine in 10 h; (D) Van Krevelen diagrams of CHOS<sub>1</sub> formulas in NOM and precursors of CHOS<sub>1</sub> formulas obtained in NOM reacting with <sup>15</sup>N- labelled hydroxylamine in 10 h

#### 2.3 反应时间对15N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物的影响

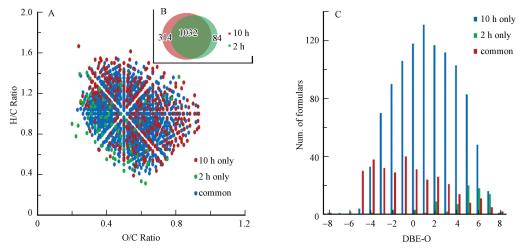
为了进一步研究 NOM 组分对羟胺的反应活性,实验考察了反应时间对5N 同位素标记羟胺衍生 化 NOM 产物的影响, 过量的羟胺与 NOM 在室温条件下分别反应 0、2、4、8、10 h 后, 分别过固相萃取 柱进行浓缩萃取并进行 FTICR-MS 检测. 本研究主要关注 CHO¹5N, 类羟胺衍生 NOM 产物, 由于此类 产物的占比较高. 所得质谱结果的部分质谱图如图 4 所示, 可以看到, 有一些 5N 同位素标记羟胺衍生 化 NOM 产物的峰强度会随反应时间的增加而逐渐增大(图 4A),对应其 NOM 反应物的峰强度随时间 延长而降低(图 4D), 这一结果较容易解释, 即随着反应时间的延长, 反应物的量会随着产物量的增加 而降低;有一些产物峰强度随反应时间延长没有发生明显变化(图 4B),而对应 NOM 反应物的峰强度 却随反应时间延长而降低(图 4E),这一结果较为异常,正常情况下,反应物峰强度应该不会发生明显 变化,造成此异常结果的原因可能是此类 NOM 反应物除了生成 CHO¹5N₁类产物,还有可能发生了其 他化学反应,具体原因有待进一步研究验证;有一些产物峰强度随反应时间增加而降低(图 4C),对于 其 NOM 反应物的峰强度在反应 2 h 后几乎均降低到质谱噪音峰强度水平(图 4F), 这一结果表明此类 NOM 反应物在反应 2 h 后已经反应完全, 对应产物峰强度在 2 h 后进一步降低, 推测此类产物有进一 步转化为其他产物的可能性. 总之, 对于15N 同位素标记羟胺衍生化 NOM 产物而言, 在反应 10 h 后, 产 物峰强度几乎不再变化. 此结果表明, 'SN 同位素标记羟胺与 NOM 的反应 10 h 后可能已达到平衡. CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub>类羟胺衍生化 NOM 产物的形成具有高度的时间依赖性, 很可能是由于 NOM 组分对羟胺的 反应活性不同所造成的.



(A)m/z 411.142 检测的质谱峰, (B)m/z 499.064 检测的质谱峰, (C)m/z 469.127 检测的质谱峰, (D) m/z 395.134 检测的质谱峰, (E) m/z 483.056 检测的质谱峰, (F) m/z 453.119 检测的质谱峰

Fig.4 Mass spectra of NOM reacting with  $^{15}$ N-labelled hydroxylamine in 0, 2, 4, 8 and 10 h (A) the detected peak at m/z 411.142, (B) at m/z 499.064, (C) at m/z 469.127, (D) at m/z 395.134, (E) at m/z 483.056, (F) at m/z 453.119

本研究进一步比较了反应 2h 和 10h 的  $CHO^{15}N_1$  产物的分子组成, 结果如图 5 所示. 可以看到, 反应 2h 单独鉴定到的  $CHO^{15}N_1$  类分子式数目为 84 个, 而 10h 单独鉴定到 314 个, 两个时间点共同鉴定到的分子式数目为 1032 个(图 5B); VK 图结果(图 5A)显示, 大部分 2h 单独鉴定到的分子的 O/C 值较低, 而大部分 10h 单独鉴定到的分子的 O/C 值较高; DBE-O 对分子式数目图  $[^{24}]$  (图 5C)显示, 10h 单独鉴定到的分子中, DBE-O 值偏负的分子数目占比明显高于 2h 单独鉴定到的分子,DBE-O 值偏负表明分子中氧个数大于双键和环的个数  $[^{28}]$ . 此结果表明, 一些高氧化且饱和的 NOM 的 CHO 化合物对羟胺可能具有较低的反应活性, 只有当延长反应时间时才可能形成羟胺衍生化 NOM 产物.



**图 5** <sup>15</sup>N 同位素标记羟胺与 NOM 反应 2 h 和 10 h 的 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> 产物的分子组成比较 (A)VK 图, (B)分子式数目比较图, (C)DBE-O 对分子式数目图

Fig.5 Comparison of the identified CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> formulas in NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 2 h and 10 h (A) Van Krevelen diagrams, (B) the number of the obtained formulas and (C) the plot of DBE-O vs. number of formulas

对于反应 2 h 和 10 h 共同鉴定到的 CHO¹5N₁产物的分子, 为了考察反应时间对其影响, 同一产物 离子在 10 h 的质谱峰强度除以其在 2 h 的质谱峰强度被定义为该离子的相对峰强度(RI), 为了减小测 定误差的影响, RI 值小于等于 0.8 被定义为该离子的峰强度在反应 10 h 时明显小于反应 2 h 的峰强 度,代表该类产物在反应 10 h 的产量低于其在 2 h 的产量; RI 值大于 0.8 且小于 1.2 被定义为该离子的 峰强度在反应 10 h 时与其反应 2 h 的峰强度无明显差异, 代表该类产物在反应 10 h 与在 2 h 的产量相 当; RI 值大于等于 1.2 被定义为该离子的峰强度在反应 10 h 时明显大于其反应 2 h 的峰强度, 代表该 类产物在反应 10 h的产量大于其反应 2 h的产量. 通过分析发现, 对于 1032 个共同鉴定到的 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub>产物的分子(结果如图 6B 所示), RI 值大于等于 1.2 的分子式有 613 个(约占总数的 60%), RI 值在 0.8—1.2 之间的分子式有 364 个(约占总数的 35%), 而 RI 值小于等于 0.8 的分子式仅有 55 个 (约占总数的5%). 此结果表明,有60%共同鉴定分子的产量随反应时间的延长而增大,说明产生此类 产物的 NOM 反应物可能由于反应活性较弱,并不能在较短反应时间内与羟胺反应完全,而延长反应 时间会增加羟胺衍生 NOM 产物的产量;有35%共同鉴定分子的产量随反应时间的延长无明显变化, 说明产生此类产物的 NOM 反应物可能由于反应活性较强,在较短反应时间内便能与羟胺反应完全形 成单肟化产物或随时间延长进一步形成其他产物;而仅有5%共同鉴定分子的产量随反应时间的延长 而降低,说明产生此类产物的 NOM 反应物可能含有多个羰基基团,随反应时间延长可能进一步生成 多肟化产物或其他不稳定产物,从而导致这些单肟化产物随反应时间延长而产量下降.

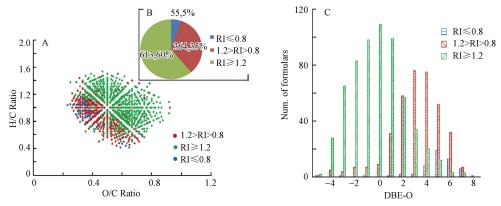


图 6  $^{15}$ N 同位素标记羟胺与 NOM 反应 2 h 和 10 h 共同鉴定的不同 RI 值的 CHO $^{15}$ N<sub>1</sub> 产物的分子组成比较 (A)VK 图, (B)分子式数目比较图, (C)DBE-O 对分子式数目图.

**Fig.6** Comparison of the commonly identified CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> formulas with different RI values in NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 2 h and 10 h

(A) Van Krevelen diagrams, (B) the number and percentage of the obtained formulas and (C) the plot of DBE-O vs. number of formulas

VK 图和 DBE-O 对分子式数目图结果(图 6A、C)显示, RI 值小于 1.2 的共同鉴定分子大部分具有较低的 O/C 值且 DBE-O 值偏正的分子式数目较多, 而 RI 值大于等于 1.2 的共同鉴定分子大部分具有较高的 O/C 值且 DBE-O 值偏负的分子式数目较多, 此结果说明高氧化度高饱和的 NOM CHO 分子对羟胺的反应活性相对较弱, 需要较长的反应时间才能反应完全, 而低氧化度高不饱和的 NOM CHO 分子对羟胺的反应活性相对较强, 其反应完全时间较短甚至有些可以生成其他衍生产物.

事实上, RI 值小于等于 0.8 的共同鉴定分子的进一步肟化产物确实在此研究实验中被检测到, 图 7A 是检测质谱结果的一个举例; 约有 29% 的此类分子可以进一步与羟胺反应形成双肟化产物, 而 其他 71% 的分子可能并不稳定或转化成其他产物(图 7B).

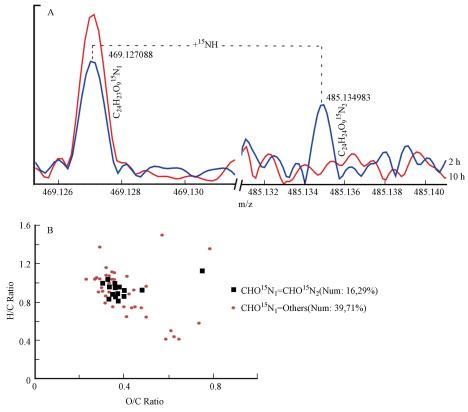


图 7 (A)<sup>15</sup>N 同位素标记羟胺与 NOM 反应 2、10 h 后的 FTICR-MS 质谱图 m/z 469.127 和 m/z 485.134; (B)形成双肟 化产物或者其他产物的 RI 值小于等于 0.8 的共同鉴定 CHO<sup>15</sup>N<sub>1</sub> 产物的 VK 图

**Fig.7** (A) Mass spectra of NOM reacting with <sup>15</sup>N-labelled hydroxylamine in 2 and 10 h at m/z 469.127 and m/z 485.134; (B) Van Krevelen diagrams of formulas with RI lower than 0.8 formed dioxime products and other products

## 3 结论(Conclusion)

羟胺作为地球氮循环过程中重要的活性氮化合物,可以与环境中普遍存在的 NOM 发生反应,从而转化成其他含氮产物。本研究采用 FTICR-MS 超高分辨质谱结合  $^{15}$ N 同位素标记技术全面表征了羟胺与 NOM 在自然条件下发生反应的产物分子信息,共鉴定到 2000 多个羟胺衍生化 NOM 产物,主要包括 CHO  $^{15}$ N<sub>1</sub>、CHO  $^{15}$ N<sub>1</sub>和 CHON  $^{15}$ N<sub>1</sub>等 4 类分子产物,其中大部分产物可能属于维管植物源多分和高不饱和酚类化合物。86% 以上的产物可能是通过肟化反应形成,数据可视化分析表明,高氧化高饱和的 NOM CHO 化合物可能与羟胺的反应活性较弱,而低氧化高不饱和度的 CHO 化合物与羟胺的反应活性较强,其中部分可形成双肟化产物或其他产物。本研究揭示了 NOM 不同组分对羟胺的反应活性较强,其中部分可形成双肟化产物或其他产物。本研究揭示了 NOM 不同组分对羟胺的反应活性以及相应产物的分子信息,可为深入探究羟胺在地球氮循环过程中的迁移转化和相应转化机制研究提供更全面的基础信息。

#### 参考文献 (References)

- [1] TANAKA M. Occurrence of hydroxylamine in lake waters as an intermediate in bacterial reduction of nitrate [J]. Nature, 1953, 171(4365): 1160-1161.
- [2] WHITE C J, LEHNERT N. Is there a pathway for N<sub>2</sub>O production from hydroxylamine oxidoreductase in ammonia-oxidizing bacteria? [J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 2016, 113(51): 14474-14476.
- [3] VAJRALA N, MARTENS-HABBENA W, SAYAVEDRA-SOTO L A, et al. Hydroxylamine as an intermediate in ammonia oxidation by globally abundant marine Archaea [J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 2013, 110(3): 1006-1011.
- [4] CARANTO J D, LANCASTER K M. Nitric oxide is an obligate bacterial nitrification intermediate produced by hydroxylamine oxidoreductase [J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 2017, 114(31): 8217-8222.
- [5] STEIN L Y. Insights into the physiology of ammonia-oxidizing microorganisms [J]. Current Opinion in Chemical Biology, 2019, 49:

9-15.

- [6] PETHICA B A, ROBERTS E R, WINTER E R S. Role of hydroxylamine in biological fixation of nitrogen [J]. Nature, 1949, 163(4141): 408.
- [7] VERSTRAETE W, ALEXANDER M. Heterotrophic nitrification in samples of natural ecosystems[J]. Environmental Science & Technology. 1973, 7: 39-42.
- [8] SUTTON R, SPOSITO G. Molecular structure in soil humic substances: The new view [J]. Environmental Science & Technology, 2005, 39(23): 9009-9015.
- [9] PICCOLO A. The supramolecular structure of humic substances [J]. Soil Science, 2001, 166(11): 810-832.
- [10] THORN K A, PETTIGREW P J, GOLDENBERG W S, et al. Covalent binding of aniline to humic substances. 2. <sup>15</sup>N NMR studies of nucleophilic addition reactions [J]. Environmental Science & Technology, 1996, 30(9): 2764-2775.
- [11] THORN K A, MIKITA M A. Ammonia fixation by humic substances: A nitrogen-15 and carbon-<sup>13</sup>NMR study [J]. Science of the Total Environment, 1992, 113(1/2): 67-87.
- [12] ALBERS C N, BANTA G T, HANSEN P E, et al. Effect of different humic substances on the fate of diuron and its main metabolite 3, 4-dichloroaniline in soil [J]. Environmental Science & Technology, 2008, 42(23): 8687-8691.
- [13] PEARSON D E, KEATON O D. Lethargic reactions. I. the preparation of hindered oximes [J]. The Journal of Organic Chemistry, 1963, 28(6): 1557-1558.
- [14] NELSON, D.W. Transformations of hydroxylamine in soils [J]. Proceedings of the Indian Acade of Science. 1977, 87: 409-413.
- [15] SCHNITZER M, SKINNER S I M. A polarographic method for the determination of carbonyl groups in soil humic compounds [J]. Soil Science, 1966, 101(2): 120-124.
- [16] THORN K A, ARTERBURN J B, MIKITA M A. Nitrogen-15 and carbon-13 NMR investigation of hydroxylamine-derivatized humic substances [J]. Environmental Science & Technology, 1992, 26(1): 107-116.
- [17] STENSON A C, MARSHALL A G, COOPER W T. Exact masses and chemical formulas of individual Suwannee River fulvic acids from ultrahigh resolution electrospray ionization Fourier transform ion cyclotron resonance mass spectra [J]. Analytical Chemistry, 2003, 75(6): 1275-1284.
- [18] LAVONEN E E, GONSIOR M, TRANVIK L J, et al. Selective chlorination of natural organic matter: Identification of previously unknown disinfection byproducts [J]. Environmental Science & Technology, 2013, 47(5): 2264-2271.
- [19] KIM S, KRAMER R W, HATCHER P G. Graphical method for analysis of ultrahigh-resolution broadband mass spectra of natural organic matter, the van Krevelen diagram [J]. Analytical Chemistry, 2003, 75(20): 5336-5344.
- [20] HUGHEY C A, HENDRICKSON C L, RODGERS R P, et al. Kendrick mass defect spectrum: A compact visual analysis for ultrahigh-resolution broadband mass spectra [J]. Analytical Chemistry, 2001, 73(19): 4676-4681.
- [21] HAN R X, LV J T, LUO L, et al. Molecular-scale investigation of soil fulvic acid and water-extractable organic matter by high-resolution mass spectrometry and <sup>1</sup>H NMR spectroscopy [J]. Environmental Chemistry, 2019, 16(2): 92.
- [22] KOCH B P, DITTMAR T, WITT M, et al. Fundamentals of molecular formula assignment to ultrahigh resolution mass data of natural organic matter [J]. Analytical Chemistry, 2007, 79(4): 1758-1763.
- [23] KUJAWINSKI E B, LONGNECKER K, BLOUGH N V, et al. Identification of possible source markers in marine dissolved organic matter using ultrahigh resolution mass spectrometry [J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2009, 73(15): 4384-4399.
- [24] GONSIOR M, PEAKE B M, COOPER W T, et al. Photochemically induced changes in dissolved organic matter identified by ultrahigh resolution Fourier transform ion cyclotron resonance mass spectrometry [J]. Environmental Science & Technology, 2009, 43(3): 698-703.
- [25] KOCH B P, DITTMAR T. From mass to structure: An aromaticity index for high-resolution mass data of natural organic matter [J]. Rapid Communications in Mass Spectrometry, 2006, 20(5): 926-932.
- [26] KELLERMAN A M, DITTMAR T, KOTHAWALA D N, et al. Chemodiversity of dissolved organic matter in lakes driven by climate and hydrology [J]. Nature Communications, 2014, 5: 3804.
- [27] BALUHA D R, BLOUGH N V, del VECCHIO R. Selective mass labeling for linking the optical properties of chromophoric dissolved organic matter to structure and composition via ultrahigh resolution electrospray ionization mass spectrometry [J]. Environmental Science & Technology, 2013, 47(17): 9891-9897.
- [28] STENSON A C. Reversed-phase chromatography fractionation tailored to mass spectral characterization of humic substances [J]. Environmental Science & Technology, 2008, 42(6): 2060-2065.